

# FlaPure Plant Total RNA Extraction Plus Kit

## 多糖多酚植物总 RNA 提取试剂盒 (离心柱型)

货号：BN12063

规格：50T

### 产品组成

组分	规格 (50 次)
裂解液 GSL ( Buffer GSL )	30 mL
去蛋白液 GRW1 ( Buffer GRW1 )	40 mL
漂洗液 GRW2 ( Buffer GRW2 )	12 mL
无 RNA 酶双蒸水 ( RNase-Free ddH <sub>2</sub> O )	15 mL
RNase-Free DNase I	100 μL
DNase Buffer	1.5 mL
RNase-Free FlaPure gDNA Remove Columns	50 套
RNase-Free FlaPure RNA Columns	50 套

### 保存条件

本试剂盒中 RNase-Free DNase I 和 DNase Buffer 置于 -20 °C 保存，其余组分常温 ( 10~25°C ) 保存 12 个月。

### 产品简介

本产品适合于从富含多糖多酚或淀粉的植物组织中快速提取总 RNA。试剂盒基于硅胶柱纯化技术，提取过程中无需使用有毒的酚氯仿抽提，整个提取过程只需 30~40 min。试剂盒采用膜过滤及 DNase I 消化，可更高效地去除基因组 DNA，提取的总 RNA 纯度高，基本没有蛋白和其他杂质的污染，可直接用于 RT-PCR、Northern Blot、Poly A 纯化，核酸保护和体外翻译等实验。

### 产品特点

- ◇ 安全低毒：无需酚、氯仿等有毒试剂；
- ◇ 操作简便：30~40 min 内完成数个样品的总 RNA 提取；
- ◇ 高效去除基因组 DNA：采用膜过滤及 DNase I 消化，高效去除基因组 DNA；
- ◇ RNA 纯度高：提取的 RNA 无杂质残留，适用于对纯度、完整性要求很高的下游实验。

## 适用范围

本产品适用于各种富含多糖多酚或淀粉的植物组织样品的总 RNA 提取。

## 注意事项

1. 第一次使用前应在漂洗液 GRW2 中加入 48 mL 的无水乙醇。
2. 操作前在裂解液 Buffer GSL 中加入 $\beta$ -巯基乙醇至终浓度 5%，如 475  $\mu$ L GSL 中加入 25  $\mu$ L  $\beta$ -巯基乙醇。此裂解液现配现用，加过 $\beta$ -巯基乙醇的 GSL 置于 2~8°C 可保存一个月。裂解液 GSL 在储存时可能会形成沉淀，若有沉淀出现，请加热溶解后使用。
3. DNase I 工作液的配制：2  $\mu$ L DNase I + 28  $\mu$ L DNase Buffer，轻轻吹打混匀，现用现配；
4. 由于植物样品种类的多样性，且同一植物的不同生长发育阶段和不同组织的 RNA 含量都不相同，请根据具体实验情况选择合适的植物材料用量。
5. 使用无 RNase 的塑料制品和枪头避免交叉污染，经常更换新手套。因为皮肤经常带有细菌、汗液及 RNase 等，可能导致 RNA 降解。
6. RNA 在裂解液 GSL 中时不会被 RNase 降解。但提取后继续处理过程中应使用不含 RNase 的塑料和玻璃器皿。玻璃器皿可在 150°C 烘烤 4 h，塑料器皿可在 0.5 M NaOH 中浸泡 10 min，然后用水彻底清洗、灭菌。
7. 以下操作均在室温下进行。

## 使用方法

1. 样品处理：取 50~100 mg 植物叶片或果肉组织样品，使用液氮将样品充分研磨至粉末状，立即加入 500  $\mu$ L Buffer GSL（使用前请先检查是否已加入 $\beta$ -巯基乙醇），高速涡旋震荡混匀。

**注意：对于富含淀粉的样品或成熟叶片，请将裂解液 GSL 用量增加至 700  $\mu$ L。**

2. 12,000 rpm (~13,400  $\times$ g) 离心 2 min。
3. 将上清液转移至过滤柱 RNase-Free FlaPure gDNA Remove Columns 中，12,000 rpm (~13,400  $\times$ g) 离心 2~5 min，小心吸取收集管中的上清至 RNase-Free 的离心管中，吸头尽量避免接触收集管中的细胞碎片沉淀。
4. 加入 0.4 倍滤液体积无水乙醇，用移液枪吸打 3~5 次充分混匀（此时可能会出现沉淀），将得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱 RNase-Free FlaPure RNA Column 中，12,000 rpm (~13,400  $\times$ g) 离心 30~60 s，倒掉收集管中的废液，将吸附柱放回收集管中。

**注意：如果滤液体积有损失，请相应调整乙醇的加量。**

5. 向吸附柱中加入 350  $\mu$ L 去蛋白液 GRW1，12,000 rpm (~13,400  $\times$ g) 离心 30~60 s，倒掉收集管中的废液，将吸附柱放回收集管中。
6. DNase I 工作液配制：2  $\mu$ L DNase I + 28  $\mu$ L DNase Buffer，轻轻吹打混匀。
7. 向吸附柱中央加入 30  $\mu$ L 的 DNase I 工作液，室温放置 15 min。
8. 向吸附柱中加入 350  $\mu$ L 去蛋白液 GRW1，12,000 rpm (~13,400  $\times$ g) 离心 30~60 s，倒掉收集管中的废液，将吸附柱放回收集管中。

9. 向吸附柱中加入 500  $\mu\text{L}$  漂洗液 GRW2 (**使用前请先检查是否已加入乙醇**)，室温静置 2 min，12,000 rpm( $\sim 13,400 \times g$ )离心 30~60 s，倒掉收集管中的废液，将吸附柱放回收集管中。
10. 重复步骤 9。
11. 12,000 rpm( $\sim 13,400 \times g$ )离心 2 min，倒掉废液。将吸附柱置于室温放置数分钟，以彻底晾干吸附柱中残余的漂洗液。

**注意：**此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液的残留，可能会影响后续的 RT 等实验。

12. 将吸附柱放入一个新的 RNase-Free 离心管中，向吸附膜的中间部位悬空滴加 30~100  $\mu\text{L}$  RNase-Free ddH<sub>2</sub>O，室温放置 2 min，12,000 rpm( $\sim 13,400 \times g$ )离心 2 min，得到 RNA 溶液，将洗脱的 RNA 置于 -80  $^{\circ}\text{C}$  保存。（洗脱液体积过小影响回收效率，柱子最小的洗脱体积是 30  $\mu\text{L}$ 。）

## 常见问题与解决办法

### Q1：过滤柱出现堵塞？

#### A1：

- 1) 样品用量过多。按照说明书推荐的要求适量取样；
- 2) 对于富含淀粉的样品或成熟叶片，请将裂解液 GSL 用量增加至 700  $\mu\text{L}$ ；
- 3) 离心温度过低。本产品使用操作均在室温下进行。

### Q2：提取的 RNA 出现降解？

#### A2：

- 1) 样品用量过多。影响裂解液的裂解能力，造成 RNase 未被充分抑制，导致 RNA 降解，建议参考说明书推荐取样量，若要增加样品起始量，则后续实验中各溶液量均要按等比例增加。对于内源 RNase 含量较多的组织应减少样品量，适当增加裂解液用量；
- 2) 样品保存不当。反复解冻会引起 RNA 降解，尽量使用新鲜样品或者解冻次数不超过 2 次的样品。
- 3) 操作过程中引入 RNase 污染。请使用 RNase-Free 的工具、试剂和耗材；
- 4) 电泳过程中发生降解。使用 RNase-Free 的 Loading Buffer、琼脂糖和电泳缓冲液等。

### Q3：RNA 得率低？

#### A3：

- 1) 样品用量过多。样品过量会影响裂解效果，建议按照说明书要求适量取样；
- 2) 样品裂解不充分。请按照说明书的要求进行充分研磨、裂解；
- 3) 洗脱不充分。RNase-Free ddH<sub>2</sub>O 需直接加到膜中央，并静置 2 min 后再离心，必要时可进行二次洗脱以提高产量；
- 4) 吸附柱有乙醇残留。使用 Buffer GRW2 漂洗后需要开盖晾干吸附柱中的乙醇。

### Q4：提取的 RNA 中有 DNA 污染？

#### A4：

- 1) 样品用量过多。超出试剂盒规定的样本量影响裂解液的裂解能力可能会导致基因组的污染；
- 2) 次生代谢物较多。次生代谢物含量高的样本在提取 RNA 时易出现基因组的污染；
- 3) 操作过程中需要进行去除基因组 DNA 的操作，若 DNA 含量较多，可延长 DNase I 消化时间或重复消化。